

Avaliação Genética
Peso de carcaça
Bovinos de raça Minhota
2025

Autores:

Prof. Mário Silvestre

Prof.^a Ângela Martins

Vila Real, 30 dezembro de 2025



ÍNDICE

1. Edição de dados	3
2. Modelo	4
3. Resultados	4
4. Referências bibliográficas	5

AVALIAÇÃO GENÉTICA PARA O PESO DE CARÇA DE BOVINOS DE BOVINOS DE RAÇA MINHOTA

1. Edição de dados

A base de dados inicial apresentava 135302 registos de pesos de carcaça de animais nascidos até 04/06/2025. Foram aplicados os critérios de edição dos dados apresentados na tabela 1. Os critérios de idade de abate e peso de carcaça cumprem os requisitos indicados pela APACRA. A base de dados final ficou com 21953 registos de pesos de carcaça.

Tabela 1. Critérios de edição dos dados.

Critério	Número de registos
Idade de abate < 210 dias	36616
Idade de abate > 365 dias	54597
Peso de carcaça < 80 kg	110
Peso de carcaça > 255 kg	1819
Ano de abate < 2010	13629
Sem ligação à genealogia	6578
Total	113349

2. Modelo

Para a avaliação genética do peso de carcaça foi usado o modelo animal e o programa ASREML (Gilmour *et al.*, 2002). O modelo foi:

$$y_{ijklmn} = \exp_i + \text{ano}_j + \text{taa}_k + b \cdot \text{idade_abate}_l + \text{sexo}_m + \text{animal}_n + e_{ijklmn}$$

Os efeitos fixos considerados foram a exploração (*exp*), ano de abate (*ano*) e o trimestre do ano de abate (*taa*), covariável idade ao abate (*idade_abate*) e sexo.

3. Resultados

Neste estudo foram analisados 21953 registos de pesos de carcaça de 2580 explorações. O peso de carcaça médio global foi de 175 ± 34 kg e a estimativa da heritabilidade (h^2) para esta característica foi de:

$$h^2 = 0,44 \pm 0,027$$

Para efeitos de publicação são considerados animais nascidos depois de 2010. Os resultados da avaliação genética para 700 touros e 11192 vacas, com pelo menos 5 descendentes por touro e 1 descendente por vaca, são apresentados nos documentos em anexo (vg_pc_2025.pdf). Para esta característica, os animais de melhor valor genético (VG) serão aqueles cujo valor é positivo tendo em consideração que se pretende aumentar o peso de carcaça. É ainda importante ter também em consideração que quanto menor o erro padrão (EP) maior é a fiabilidade do VG. A Tabela 3 apresenta a informação disponível no anexo de resultados.

Tabela 3. Informação disponível na avaliação genética para o peso de carcaça.

IO	Identificação temporária
SIA_NUMERO	Identificação SIA do animal
PAI_SIA	Identificação SIA do pai
MAE_SIA	Identificação SIA da mãe
SEXO	Sexo
DATANASC	Data de nascimento
F (%)	Consanguinidade
AR (%)	Parentesco médio
GER_MAX	Nº máximo de gerações
GER_COM	Nº de gerações completas
VG	Valor genético
EP	Erro padrão
Desc	Número de descendentes

4. Referências bibliográficas

Gilmour, A. R., B. J. Gogel, B. R. Cullis, S. J. Welham, and R. Thompson.
2002. ASReml User Guide Release 1.0. VSN Int., Hemel Hempstead, UK.